

Prevalência De Genótipos Do VHB Num Centro Do Norte De Portugal.

Ana Cristina Vieira Aguiar^{1*};
 Daniela Miguel Martins Dias Fernandes Ribeiro¹;
 Manuela Maria Pereira Silva Mateus¹;
 Paula Cristina da Silva Costa¹;
 Beatriz Rosário Oliveira Delgado¹;
 Maria Lucinda Magalhães Queirós Ribeiro¹



Congresso de Controle da Qualidade Laboratorial
 para Países de Língua Portuguesa

¹ Centro de Sangue e Transplantação do Porto – Instituto Português do Sangue e da Transplantação, IP- Portugal

*Autor correspondente: Ana.Aguiar@IPST.min-saude.pt

Costão do Santinho – Florianópolis
 19 e 20 de junho de 2023

INTRODUÇÃO

O vírus da hepatite B (VHB) classifica-se em dez genótipos (A a J), cuja distribuição geográfica é influenciada por diversos fatores. Em Portugal a prevalência do VHB é baixa (0,4%). O Genótipo A é o mais prevalente na Europa Central e Norte, sendo o genótipo D mais prevalente no mediterrâneo.

OBJETIVOS

Avaliar e caracterizar a prevalência do genótipo do VHB, durante um período de oito anos, em doentes infetados pelo VHB que deram entrada no Centro de Sangue e da Transplantação do Porto (CSTP) provenientes de vários hospitais da zona norte de Portugal.

METODOLOGIA

Realizou-se a extração dos ácidos nucleicos com o teste MagNA Pure Compact Nucleic Acid Isolation - MagNA Pure Compact / teste MagNA Pure 24 Total Nucleic Acid Isolation - MagNAPure 24. A amplificação realizou-se com o teste INNO-LIPA HBV Genotyping - GeneAmp 2700. A deteção no Auto-LIPA 48/Tendigo. Os dados foram analisados estatisticamente utilizando o Microsoft Excel 2010.

RESULTADOS

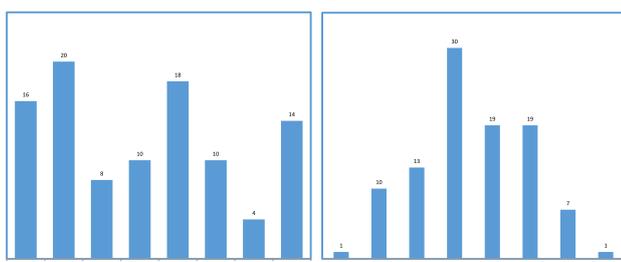


Figura 1. Distribuição do número de amostras testadas para os Genótipos do VHB por ano do estudo.

Figura 2. Distribuição por idade das amostras estudadas.

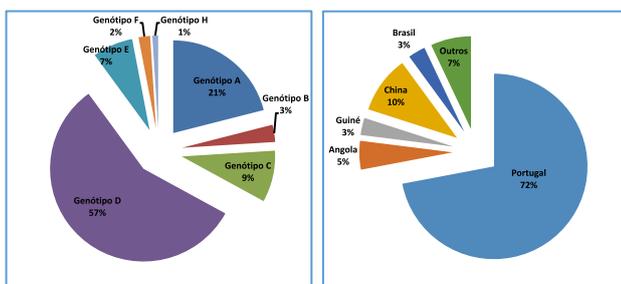


Figura 3. Distribuição dos Genótipos do VHB nas amostras estudadas.

Figura 4. Distribuição da naturalidade dos doentes estudados.

Genótipo do VHB	Número de amostras (%)	Naturalidade				
		Portugal	Brasil	Angola	Moçambique	Senegal
Genótipo A	21 (21%)	16 (76,1%)	2 (9,5%)	1 (4,8%)	1 (4,8%)	1 (4,8%)
Genótipo B	3 (3%)	China (66,7%)	Indonésia (33,3%)			
Genótipo C	9 (9%)	China (88,9%)	Bangladesh (11,1%)			
Genótipo D	57 (57%)	Portugal (93%)	Brasil (1,75%)	Ucrânia (1,75%)	Roménia (1,75%)	Bulgária (1,75%)
Genótipo E	7 (7%)	Angola (57,14%)	Guiné (42,86%)			
Genótipo F	2 (2%)	Portugal (100%)				
Genótipo H	1 (1%)	Portugal (100%)				

Tabela 1. Distribuição dos Genótipos do VHB nas amostras estudadas.

Entre 2015 e 2022 foram determinados 100 genótipos do VHB de diferentes indivíduos (63% do sexo masculino), com idades entre 11 e 81 anos.(Figura 1 e 2).Destes genótipos, 21% são A, 3% B, 9% C, 57% D, 7% E, 2% F e 1% H. 72% dos indivíduos são naturais de Portugal, 10% China, 5% Angola e 13% outros países. Os genótipos mais prevalentes foram D (57%) e A (21%), maioritariamente em indivíduos naturais de Portugal. (Figura 3 e 4). Os genótipos B e C foram identificados em indivíduos de origem asiática e o E de proveniência africana. (Tabela 1).

CONCLUSÕES

O genótipo D é o mais predominante. A diversidade de genótipos é um reflexo do atual contexto migratório em Portugal e globalização humana. O perfil genotípico neste estudo tem potencial impacto no melhor acompanhamento e desfecho da infeção nos doentes.

REFERÊNCIAS BIBLIOGRÁFICAS

1. Direção-Geral da Saúde. Relatório Programa Nacional para as Hepatites Virais – 2022.
2. Costa P. 2011.Determinação dos genótipos do VHB por um método de sequenciação directa. Disponível em: <http://hdl.handle.net/10773/8905>
3. Velkov S et al. 2018.The Global Hepatitis B Virus Genotype Distribution Approximated from Available Genotyping Data. Genes 9(10):495.